

Ringversuch: **LP3/25**
im Monat: **Juli 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0003333**
Gültig ab: **19.07.25**



Seite 1 von 6

Würmtal diagnostics GbR
Labor - 2. Stock
Kd. Nr. 0003333
Fraunhoferstr 11a
82152 Planegg-Martinsried



Bonn, 13. August 2025

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für Lipoproteine teilgenommen haben. Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich Januar 2026. Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Cholesterin	(1)	Triglyceride	(2)	HDL-Cholesterin	(1)
LDL-Cholesterin	(5)	Apolipoprot. A1	(1)	Apolipoprot. B	(1)
Lipoprotein (a)	(1)	Homocystein	(1)		

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode. Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 13.08.25 gültig. Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgrösse ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

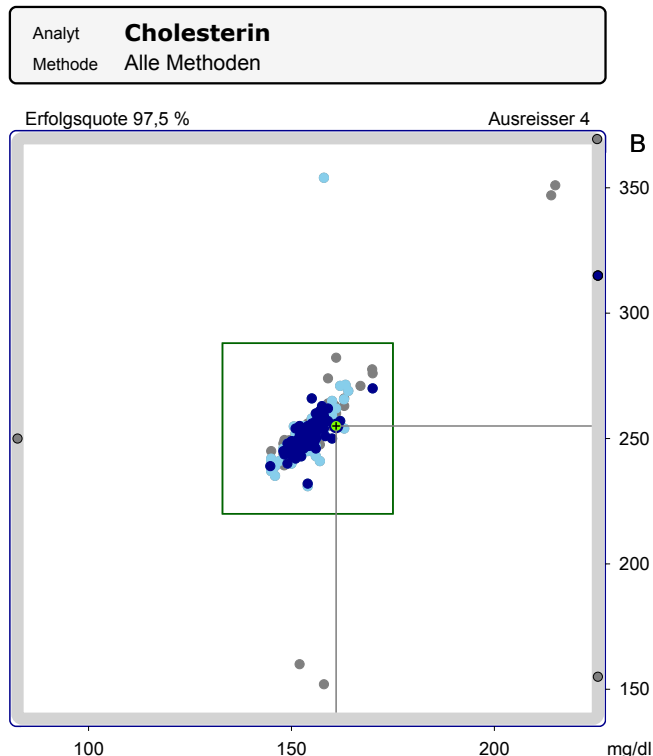
Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrössen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält.

Wenn alle untersuchten Messgrössen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der jeweils gültigen Richtlinie der BÄK. ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze	Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax ≤ 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0 ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen
--	---

	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG								
Cholesterin [mg/dl]	+	1	A	161	0.33	154	133	175							
			B	255	0.02	254	220	288							
Triglyceride [mg/dl]	+	2	A	227	0.08	224	188	260							
			B	314	0.16	306	257	355							
HDL-Cholesterin [mg/dl]	+	1	A	41.0	-0.11	42.0	33.1	50.9							
			B	48.0	-0.13	49.4	39.0	59.8							
LDL-Cholesterin [mg/dl]	+	5	A	75.0	0.64	66.1	52.2	80.0							
			B	144	0.10	141	111	171							
Apolipoprot. A1 [mg/dl]	+	1	A	139	0.04	138	117	159							
			B	152	0.08	150	127	173							
Apolipoprot. B [mg/dl]	+	1	A	82.0	0.31	78.3	66.5	90.1							
			B	135	0	135	114	156							
Lipoprotein (a) [nmol/l]	+	1	A	87.0	0	87.1	60.9	114							
			B	41.0	0.11	39.6	27.5	51.6							
Homocystein [μmol/l]	+	1	A	41.2	-0.03	41.6	29.1	54.1							
			B	17.9	-0.02	18.0	12.6	23.4							



Teilnehmerzahl	360		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	155		252
Standardabweichung	5.87		13.4
Variationskoeffizient	3.80		5.31

Probe A (ZW = 154 [mg/dl])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		360	1.00	151	154	158	273	
1	4	43	145	151	155	157	163	
1	30	123	145	151	154	157	228	
1	38	13	147	153	160	163	164	
1	43	18	145	150	152	156	158	
1	328	12	145	148	152	155	156	
2	4	18	150	152	156	158	160	
2	30	101	145	150	154	156	273	
2	38	19	1.00	157	159	163	167	
2	43	5	150		152		155	

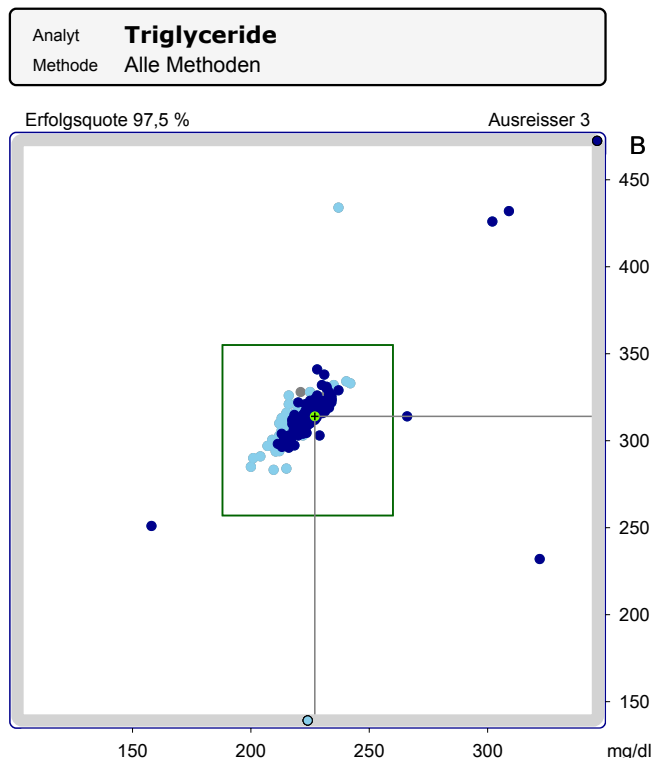
Probe B (ZW = 254 [mg/dl])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		360	152	245	251	256	439	
1	4	43	231	242	249	254	260	
1	30	123	232	246	251	256	315	
1	38	13	241	250	259	271	271	
1	43	18	240	245	248	254	354	
1	328	12	242	242	248	254	256	
2	4	18	240	244	251	255	256	
2	30	101	155	246	250	255	439	
2	38	19	152	253	260	264	271	
2	43	5	160		248		253	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	4.5 %
B	1.5 %

Andere Kits (Anzahl):
1-126(2), 2-12(2), 2-40(1), 2-126(2), 2-328(1),



Teilnehmerzahl	360		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	223		313
Standardabweichung	10.8		14.4
Variationskoeffizient	4.82		4.60

Probe A (ZW = 224 [mg/dl])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		360	158	217	223	228	387	
2	4	60	201	213	219	221	226	
2	30	221	158	220	224	229	387	
2	38	32	200	217	222	227	230	
2	43	23	212	218	224	230	237	
2	126	4	218		226		240	
2	328	11	212	213	216	223	223	

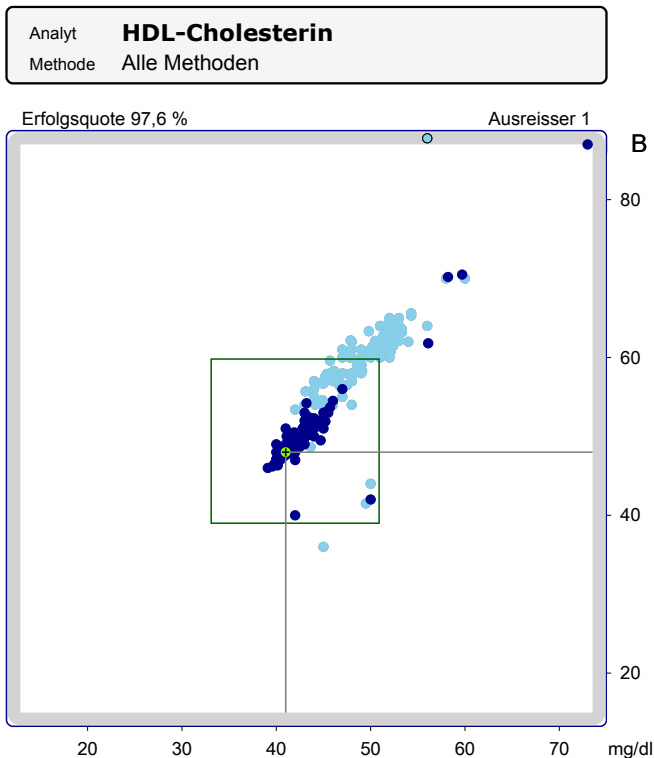
Probe B (ZW = 306 [mg/dl])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		360	116	305	313	320	533	
2	4	60	283	303	311	317	328	
2	30	221	232	307	314	320	533	
2	38	32	116	301	313	317	323	
2	43	23	130	303	310	321	434	
2	126	4	316		319		334	
2	328	11	303	304	310	318	321	

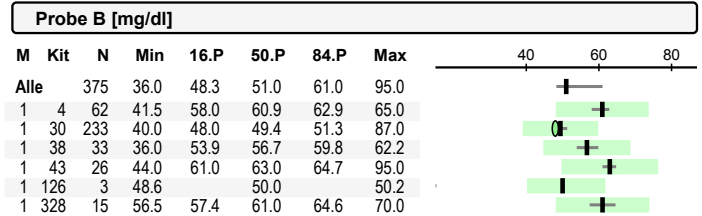
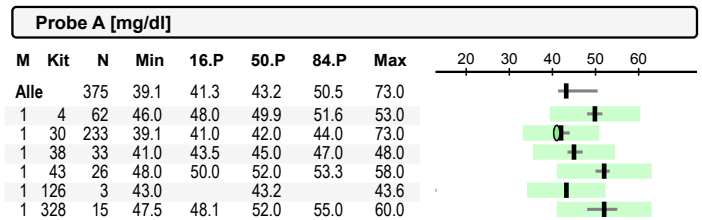
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	1.3 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-30(2), 1-43(1), 1-328(2), 2-10(1), 2-12(1), 2-40(1),



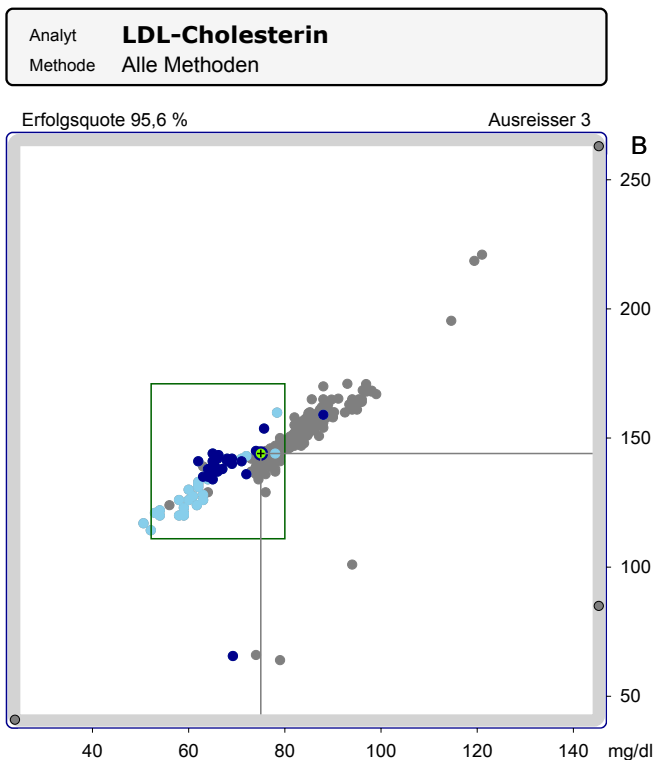
Teilnehmerzahl	375		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	45.1		53.5
Standardabweichung	4.44		6.15
Variationskoeffizient	9.83		11.5



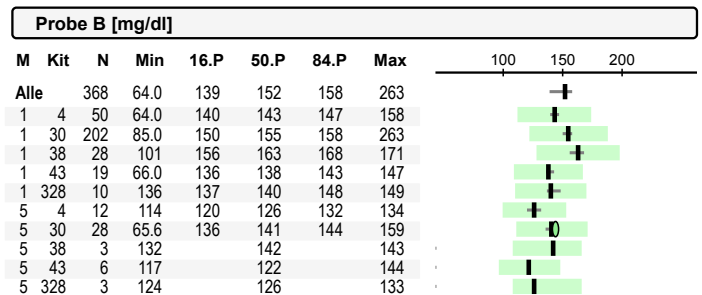
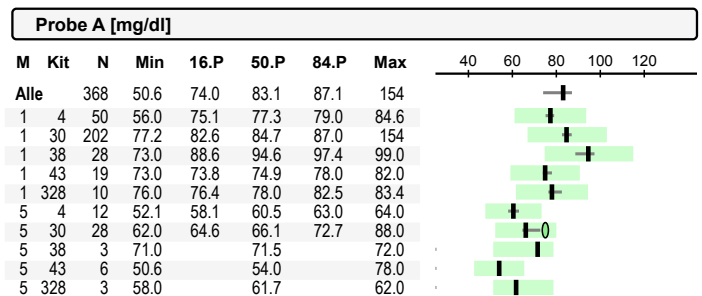
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -2.3 %
B -2.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-40(1), 5-30(1), 5-43(1),



Teilnehmerzahl	368		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	81.0		149
Standardabweichung	9.31		14.1
Variationskoeffizient	11.5		9.45



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

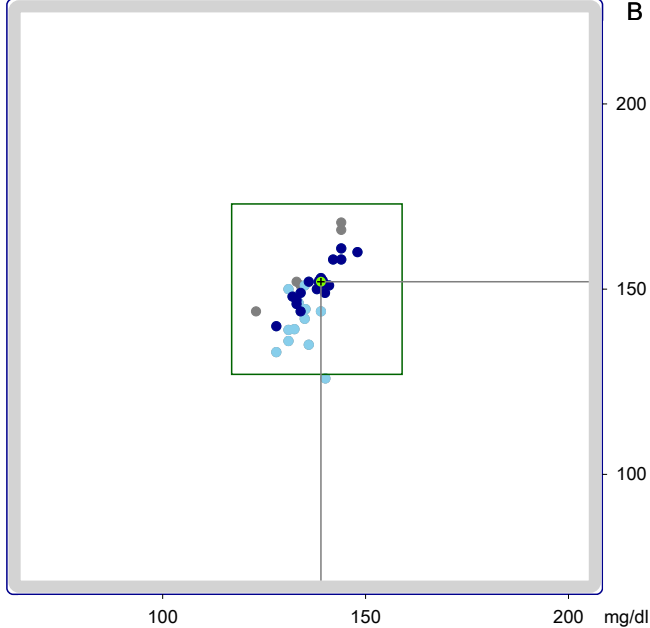
A 13 %
B 2.4 %

Andere Kits (Anzahl):
1-40(1), 1-126(1), 4-38(1), 5-126(1), 6-04(1), 6-30(2),

Analyt **Apolipoprot. A1**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 100,0 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	35		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	136		148
Standardabweichung	5.39		8.92
Variationskoeffizient	3.96		6.02

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		35	123	131	135	142	148
1	4	3	131		134		135
1	30	17	128	133	138	144	148
1	38	4	131		132		135
1	43	5	128		136		140
2	28	5	123		134		144

Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		35	126	139	149	158	168
1	4	3	146		150		151
1	30	17	140	146	150	158	161
1	38	4	136		139		142
1	43	5	126		135		145
2	28	5	144		152		168

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

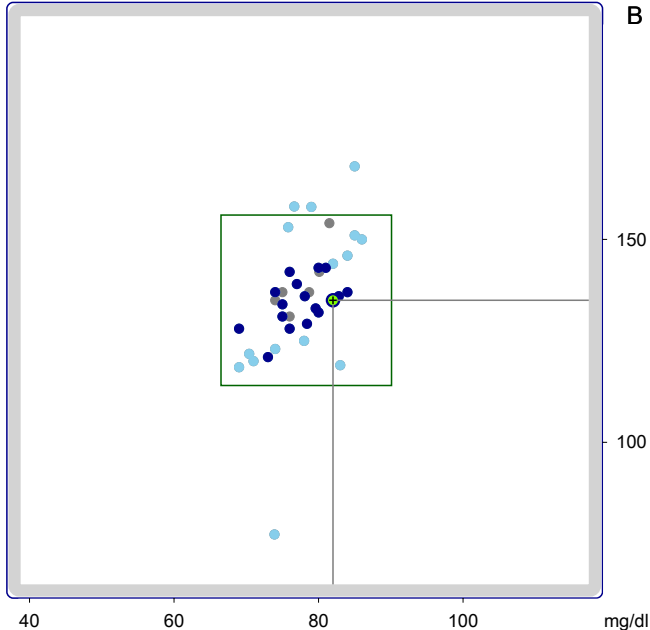
A 0.7 %
B 1.3 %

Andere Kits (Anzahl):
1-12(1),

Analyt **Apolipoprot. B**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,4 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	39		
Probe/Einheit	A	mg/dl	B
Mittelwert	78.0		136
Standardabweichung	4.51		15.1
Variationskoeffizient	5.78		11.1

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		39	69.0	73.9	78.1	82.9	86.0
1	4	4	82.0		84.5		86.0
1	30	18	69.0	74.0	78.3	82.0	84.0
1	38	4	75.8		77.8		85.0
1	43	6	69.0		72.5		78.0
2	28	6	74.0		77.4		81.5

Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		39	77.3	122	136	151	168
1	4	4	144		148		151
1	30	18	121	128	135	142	143
1	38	4	153		158		168
1	43	6	77.3		121		125
2	28	6	131		137		154

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 4.7 %
B 0 %

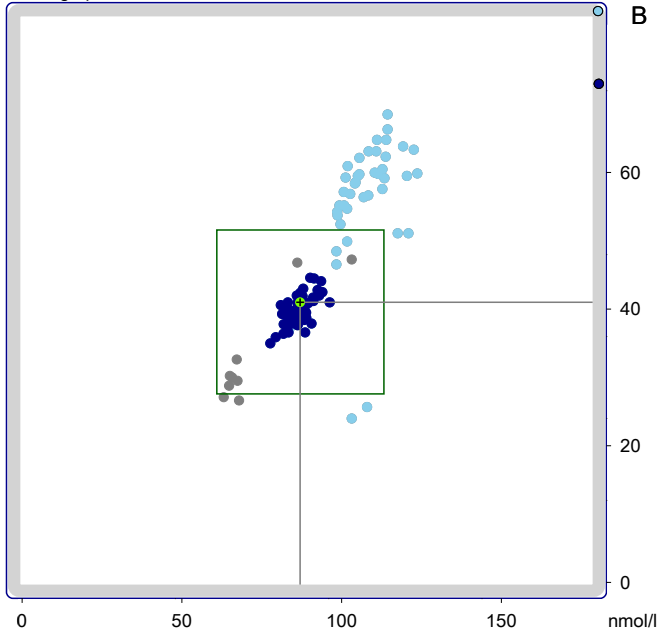
Andere Kits (Anzahl):
1-12(1),

Analyt **Lipoprotein (a)**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 94,0 %

Ausreisser 2

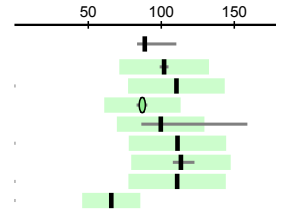


A

Teilnehmerzahl	118		
Probe/Einheit	A	nmol/l	B
Mittelwert	93.2		45.2
Standardabweichung	13.2		10.4
Variationskoeffizient	14.2		23.0

Probe A [nmol/l]

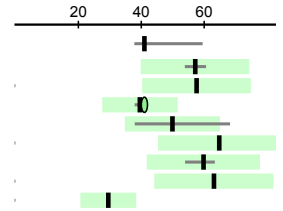
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		118	63.1	83.4	88.7	110	216
1	4	13	98.6	98.9	102	105	108
1	12	3			110		113
1	30	64	77.7	83.1	87.0	90.4	182
Roche2	9		83.8	86.3	99.7	159	216
1	38	3			111		114
1	43	11		107	108	113	123
1	45	5		106		111	114
2	28	7	63.1		65.8		67.9



B

Probe B [nmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		118	24.0	37.8	41.0	59.5	91.9
1	4	13	24.0	53.9	57.2	60.6	63.1
1	12	3			57.6		60.0
1	30	64	35.0	37.9	39.6	42.0	73.0
Roche2	9		37.2	37.9	49.9	68.2	91.9
1	38	3			64.8		66.3
1	43	11		53.9		63.4	63.8
1	45	5		59.8		63.1	68.5
2	28	7	26.6		29.5		32.6



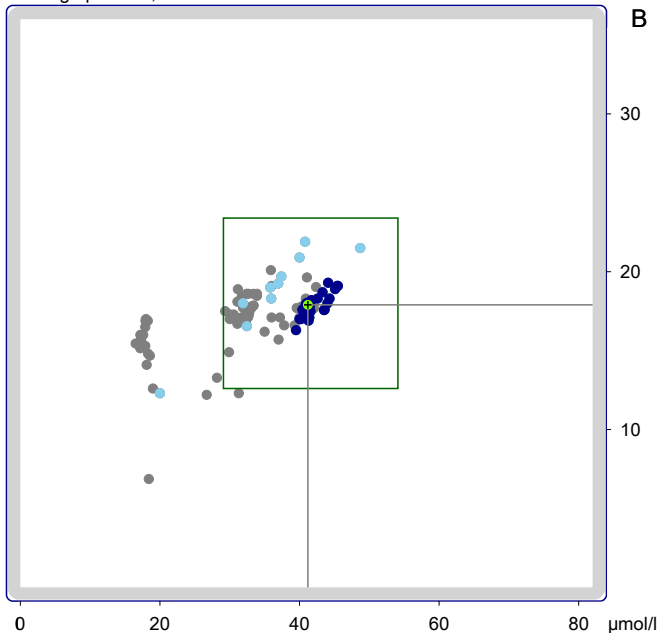
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0 %
B 3.6 %Andere Kits (Anzahl):
1-40(1), 2-04(1), 2-13(1),Analyt **Homocystein**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 94,7 %

Ausreisser 0

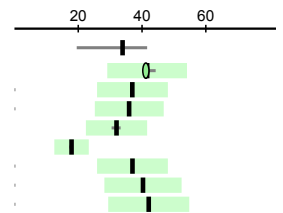


A

Teilnehmerzahl	96		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	33.8		17.2
Standardabweichung	8.50		2.05
Variationskoeffizient	25.1		11.9

Probe A [µmol/l]

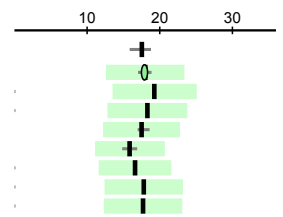
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		96	16.5	19.5	33.9	41.6	48.7
1	30	25	39.5	40.4	41.6	44.3	45.5
1	38	3			37.0		40.8
1	130	3	32.5		36.0		40.0
2	4	29	29.4	30.5	32.0	33.3	33.9
2	43	12	16.5	17.2	17.9	18.3	18.6
2	44	7			37.0		39.3
3	47	3			40.3		40.9
6	30	3	39.6		42.1		42.4



B

Probe B [µmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		96	6.87	15.9	17.5	18.8	21.9
1	30	25	16.3	17.0	18.0	18.9	19.3
1	38	3			19.3		21.9
1	130	3	16.6		18.3		20.9
2	4	29	12.3	17.0	17.5	18.6	18.9
2	43	12	14.7	14.8	15.9	16.9	17.0
2	44	7			16.6		19.1
3	47	3			17.8		18.3
6	30	3	17.7		17.7		19.0



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -0.9 %
B -0.5 %Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-12(1), 1-43(1), 1-147(1), 2-30(1), 2-40(1), 3-75(1), 4-28(1), 5-47(1), 5-75(1), 6-12(1),