

Ringversuch: **AD1/26**
im Monat: **Januar 2026**
Teilnehmer-Nr.: **0003333**
Gültig ab: **21.01.26**



Seite 1 von 5

MTC GmbH - Würmtal Diagnostics
Fraunhoferstr 11a
82152 Planegg-Martinsried



Bonn, 10. Februar 2026

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für hämatologische Automatendifferenzierung im Blut teilgenommen haben.
Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiLiBÄK gültig bis einschließlich Juli 2026.
Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Neutroph. Gran.	(1)	Lymphozyten	(1)	Monozyten	(1)
Eosinoph. Gran.	(1)	Basophile Gran.	(1)	Thrombozyten, imp.	(1)

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung

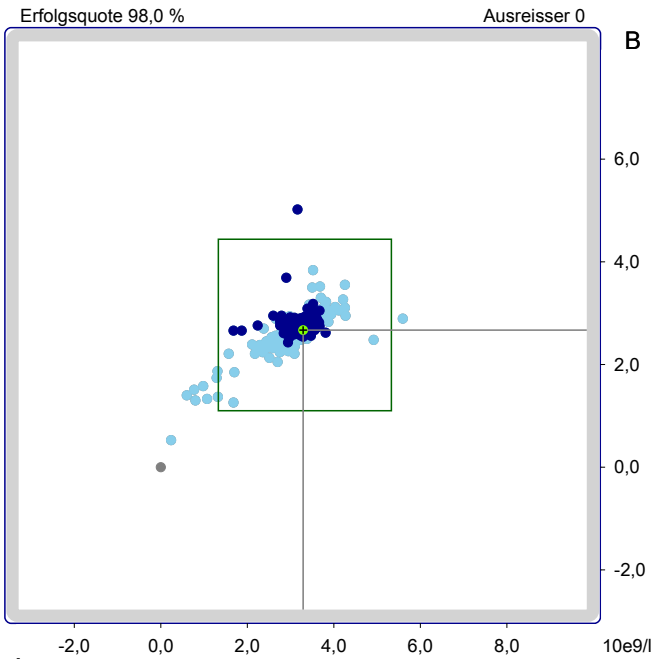
Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 09.02.26 gültig.
Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.

Analyt **Neutroph. Gran.**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	403		
Probe/Einheit	A	10~9~/l	B
Mittelwert	3.18		2.70
Standardabweichung	0.572		0.378
Variationskoeffizient	18.0		14.0

Probe A [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	403	0	2.87	3.28	3.53	5.59	
1	13	4	0.770		1.63		1.70
1	19	4	0.980		1.18		1.32
1	22	28	1.31	3.50	3.77	4.23	5.59
1	63	75	2.11	2.56	2.88	3.22	4.92
1	64	267	1.68	3.10	3.33	3.51	3.81
1	67	4	2.89		3.10		3.48
1	73	5	2.98		3.29		3.68
1	75	5	3.18		3.39		3.79
1	101	3	3.72		3.89		3.93

Probe B [10e9/l]

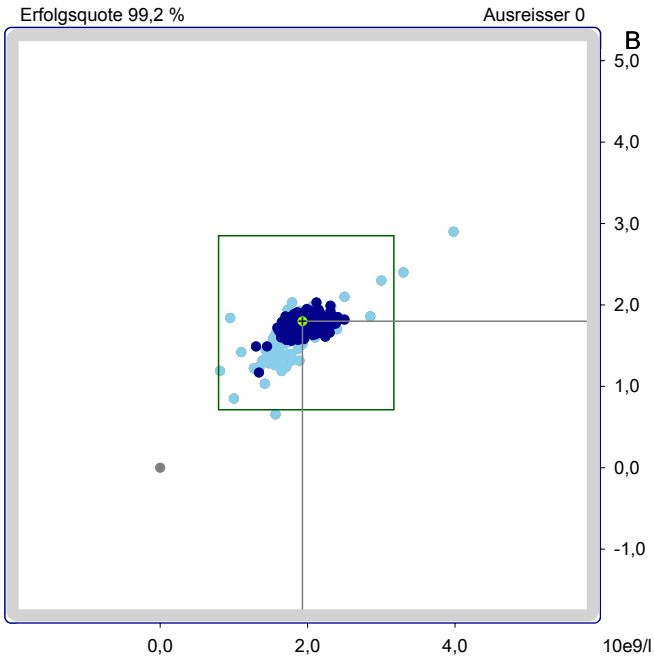
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	403	0	2.53	2.76	2.89	5.02	
1	13	4	1.26		1.68		2.21
1	19	4	1.33		1.48		1.74
1	22	28	1.87	2.95	3.04	3.24	3.84
1	63	75	2.13	2.32	2.50	2.67	2.93
1	64	267	2.43	2.67	2.77	2.87	5.02
1	67	4	2.60		2.68		2.79
1	73	5	2.81		2.84		3.52
1	75	5	2.48		2.79		2.94
1	101	3	2.95		2.99		3.05

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-1.0 %
B	-3.6 %

Andere Kits (Anzahl):
1-12(2), 1-66(1), 1-68(1), 1-70(2), 1-74(1), 1-81(1),

Analyt **Lymphozyten**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	407		
Probe/Einheit	A	10~9~/l	B
Mittelwert	1.91		1.70
Standardabweichung	0.289		0.203
Variationskoeffizient	15.1		11.9

Probe A [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	407	0	1.69	1.92	2.13	3.98	
1	13	4	0.950		2.59		3.98
1	19	4	1.53		1.55		1.60
1	22	28	0.812	1.44	1.61	1.77	1.90
1	63	75	1.10	1.62	1.77	1.93	2.17
1	64	267	1.30	1.81	1.98	2.16	2.50
1	67	4	1.87		2.03		2.10
1	70	5	1.86		2.30		2.50
1	73	5	1.78		1.79		1.96
1	75	5	1.39		1.52		1.71
1	101	3	1.75		1.79		1.80

Probe B [10e9/l]

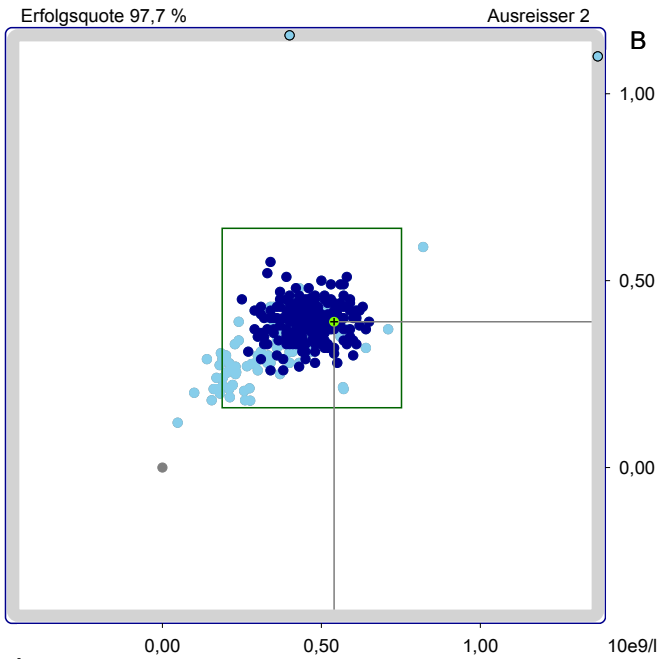
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	407	0	1.59	1.74	1.84	2.90	
1	13	4	1.84		1.92		2.90
1	19	4	1.37		1.43		1.54
1	22	28	0.656	1.19	1.34	1.46	1.57
1	63	75	1.22	1.57	1.65	1.71	1.92
1	64	267	1.17	1.69	1.78	1.85	2.03
1	67	4	1.46		1.77		1.98
1	70	5	1.60		1.70		2.10
1	73	5	1.59		1.69		2.03
1	75	5	1.24		1.32		1.47
1	101	3	1.64		1.69		1.72

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-2.5 %
B	1.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-12(2), 1-66(1), 1-68(2), 1-74(1), 1-81(1),

Analyt **Monozyten**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl		401	
Probe/Einheit	A	10~9~/l	B
Mittelwert	0.432		0.370
Standardabweichung	0.111		0.070
Variationskoeffizient	25.8		19.1

Probe A [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		401	0	0.335	0.450	0.540	1.80
1	13	4	0.190		0.280		0.470
1	19	4	0.190		0.215		0.230
1	22	28	0.100	0.167	0.203	0.269	0.568
1	63	75	0.240	0.360	0.430	0.500	0.820
1	64	267	0.250	0.390	0.470	0.540	0.650
1	67	4	0.390		0.460		0.500
1	73	5	0.350		0.400		0.440
1	75	5	0.230		0.300		0.340
1	101	3	0.280		0.333		0.333

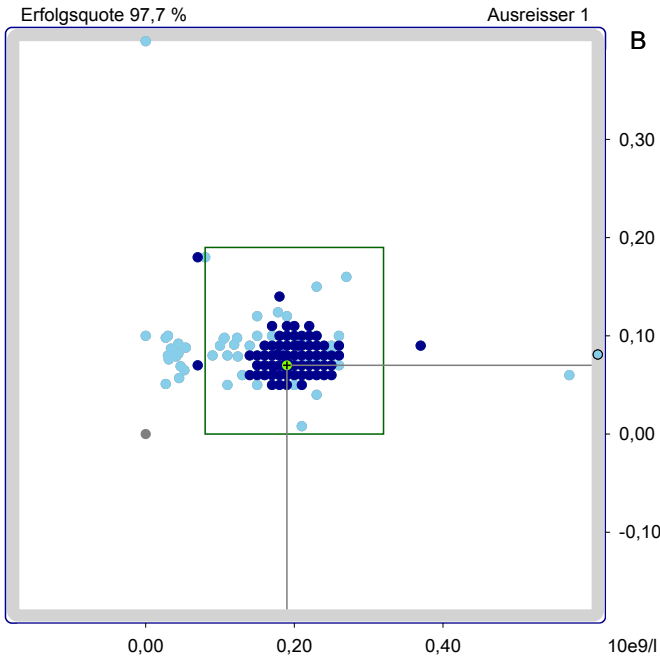
Probe B [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		401	0	0.310	0.380	0.430	2.50
1	13	4	0.180		0.260		0.360
1	19	4	0.220		0.245		0.260
1	22	28	0.179	0.199	0.254	0.300	0.340
1	63	75	0.210	0.320	0.370	0.420	2.50
1	64	267	0.260	0.340	0.400	0.440	0.550
1	67	4	0.340		0.425		0.500
1	73	5	0.310		0.380		0.410
1	75	5	0.260		0.280		0.300
1	101	3	0.277		0.293		0.300

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 14 % B -2.5 %

Andere Kits (Anzahl):
1-12(1), 1-66(1), 1-68(1), 1-70(1), 1-74(1), 1-81(1),

Analyt **Eosinoph. Gran.**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl		400	
Probe/Einheit	A	10~9~/l	B
Mittelwert	0.189		0.077
Standardabweichung	0.049		0.023
Variationskoeffizient	26.1		30.7

Probe A [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		400	0	0.170	0.200	0.220	0.707
1	13	4	0.110		0.155		0.230
1	19	4	0.170		0.195		0.210
1	22	28	0	0.030	0.072	0.178	0.707
1	63	75	0.140	0.162	0.200	0.228	0.570
1	64	267	0.070	0.180	0.200	0.220	0.370
1	67	4	0.180		0.200		0.230
1	73	5	0.170		0.200		0.230
1	75	5	0.110		0.170		0.270
1	101	3	0.230		0.250		0.253

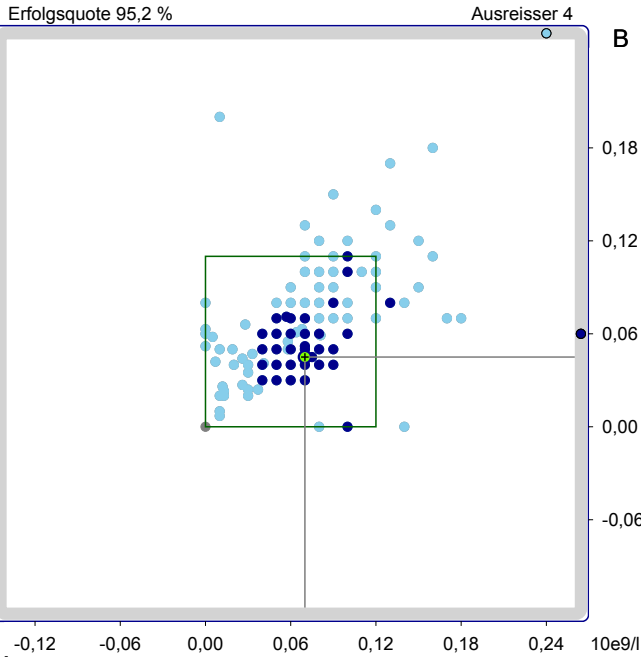
Probe B [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		400	0	0.060	0.076	0.090	0.400
1	13	4	0.040		0.055		0.080
1	19	4	0.060		0.080		0.120
1	22	28	0.057	0.073	0.087	0.100	0.400
1	63	75	0.050	0.060	0.070	0.080	0.110
1	64	267	0.050	0.060	0.070	0.090	0.180
1	67	4	0.008		0.075		0.090
1	73	5	0.070		0.080		0.150
1	75	5	0.080		0.090		0.160
1	101	3	0.077		0.080		0.083

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -5.0 % B 0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-66(1), 1-68(1), 1-70(1), 1-74(1), 1-81(1),

Analyt **Basophile Gran.**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	399		
Probe/Einheit	A	10~9~/l	B
Mittelwert	0.065		0.056
Standardabweichung	0.026		0.025
Variationskoeffizient	40.5		45.3

Probe A [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		399	0	0.050	0.060	0.080	0.600
1	13	4	0.030		0.035		0.040
1	19	4	0.010		0.010		0.010
1	22	28	0	0.003	0.029	0.068	0.100
1	63	75	0	0.070	0.090	0.120	0.240
1	64	266	0.040	0.050	0.060	0.070	0.600
1	67	4	0.010		0.075		0.090
1	73	5	0.040		0.070		0.070
1	75	5	0.090		0.120		0.160
1	101	3	0.010		0.013		0.013

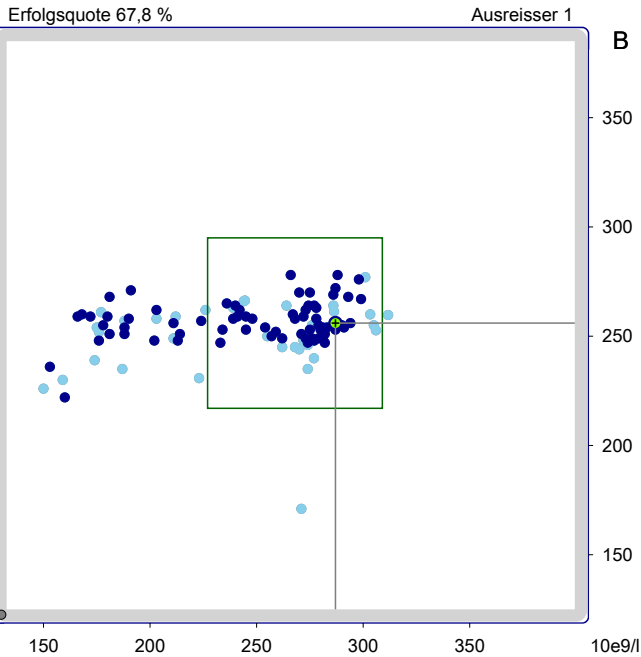
Probe B [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		399	0	0.040	0.050	0.080	0.260
1	13	4	0.020		0.040		0.040
1	19	4	0.010		0.015		0.200
1	22	28	0	0.025	0.050	0.063	0.130
1	63	75	0	0.060	0.090	0.110	0.260
1	64	266	0	0.040	0.050	0.060	0.110
1	67	4	0.010		0.060		0.080
1	73	5	0.040		0.050		0.060
1	75	5	0.080		0.110		0.150
1	101	3	0.007		0.020		0.023

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 16 % B -10.0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-66(1), 1-68(1), 1-70(1), 1-74(1), 1-81(1),

Analyt **Thrombozyten, imp.**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	109		
Probe/Einheit	A	10~9~/l	B
Mittelwert	247		254
Standardabweichung	43.6		13.0
Variationskoeffizient	17.7		5.13

Probe A [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		109	0	185	266	286	312
1	22	8	150	154	246	276	277
1	63	19	174	176	239	284	301
1	64	74	153	188	268	286	299
1	73	2	245		250		255
1	101	3	303		306		312

Probe B [10e9/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		109	0	247	255	264	278
1	22	8	226	228	235	245	245
1	63	19	171	245	257	264	277
1	64	74	222	249	256	265	278
1	73	2	250		258		266
1	101	3	253		260		260

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 7.2 % B 0.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-13(1), 1-68(1), 1-70(1),