

Ringversuch: **LP2/13**
im Monat: **Mai 2013**
Teilnehmer-Nr.: **0003333**
ausgestellt am: **18.05.13**

Referenzinstitut für Bioanalytik

UCM united Clinic management GmbH
Labor
Germeringer Str. 32
82152 Planegg



Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. R. Kruse
Dr. W. J. Geilenkeuser

Bonn, 12. Juni 2013

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für Lipoproteine teilgenommen haben.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Cholesterin	(2)	Triglyceride	(2)	HDL-Cholesterin	(1)
LDL-Cholesterin	(6)	Homocystein	(7)		

Dieses Zertifikat ist gültig bis einschließlich November 2013.



W. J. Geilenkeuser Prof. Dr. C. Knabbe Dr. R. Kruse

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Ringversuch: **LP2/13**
 im Monat: **Mai 2013**
 Teilnehmer-Nr.: **0003333**

Aufistung und Bewertung Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgröße ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrößen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält. Wenn alle untersuchten Messgrößen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

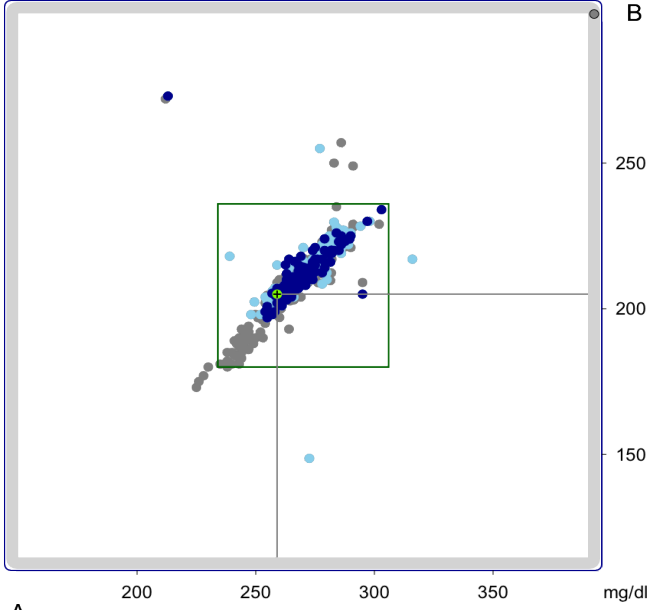
Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der Richtlinie der BÄK (Dt. Ärzteblatt 105, Heft 7, 15.02.2008). ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze	Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax <= 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0) ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen
--	---

	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG								
Cholesterin [mg/dl]	+	2	A	259	-0.31	270	234	306							
			B	205	-0.11	208	180	236							
Triglyceride [mg/dl]	+	2	A	279	-0.43	305	244	366							
			B	196	-0.52	219	175	263							
HDL-Cholesterin [mg/dl]	+	1	A	37.0	-0.13	38.0	30.0	46.0							
			B	36.0	-0.13	37.0	29.2	44.8							
LDL-Cholesterin [mg/dl]	+	6	A	166	-0.29	177	139	215							
			B	130	-0.24	137	108	166							
Homocystein [µmol/l]	+	7	A	18.8	0.01	18.7	13.0	24.4							
			B	16.0	0.15	15.3	10.7	19.9							

Analyt **Cholesterin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,7 %

Ausreisser 2

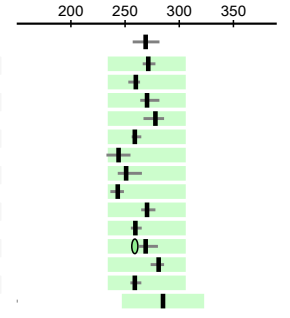


A

Teilnehmerzahl	494	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	269	210
Standardabweichung	13.3	12.0
Variationskoeffizient	4.97	5.71

Probe A (ZW = 270 [mg/dl])

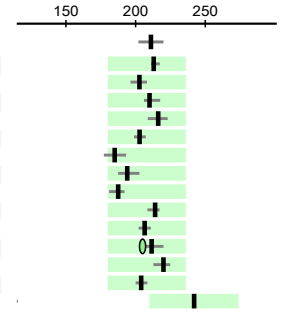
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		494	212	257	269	282	395
1	4	28	212	266	271	278	295
1	13	12	228	253	260	264	266
1	30	89	259	264	270	282	395
1	38	33	257	267	278	286	291
1	40	22	254	256	259	265	267
1	128	9	225	233	244	255	258
1	228	13	241	243	251	266	266
1	328	27	226	236	243	249	256
2	4	17	259	265	270	278	279
2	13	8	254	255	260	265	266
2	30	124	213	263	269	280	303
2	38	59	239	274	281	286	298
2	40	21	248	255	259	265	267
4	8	6	280		285		302



B

Probe B (ZW = 208 [mg/dl])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		494	149	202	211	220	301
1	4	28	209	211	213	217	272
1	13	12	177	196	203	208	210
1	30	89	203	206	210	218	301
1	38	33	202	209	216	223	229
1	40	22	197	199	203	207	211
1	128	9	173	177	185	193	198
1	228	13	186	187	194	203	212
1	328	27	175	181	188	192	198
2	4	17	206	208	214	217	220
2	13	8	202	202	207	211	211
2	30	124	197	205	212	220	273
2	38	59	209	213	220	225	255
2	40	21	198	200	204	208	211
4	8	6	219		242		257



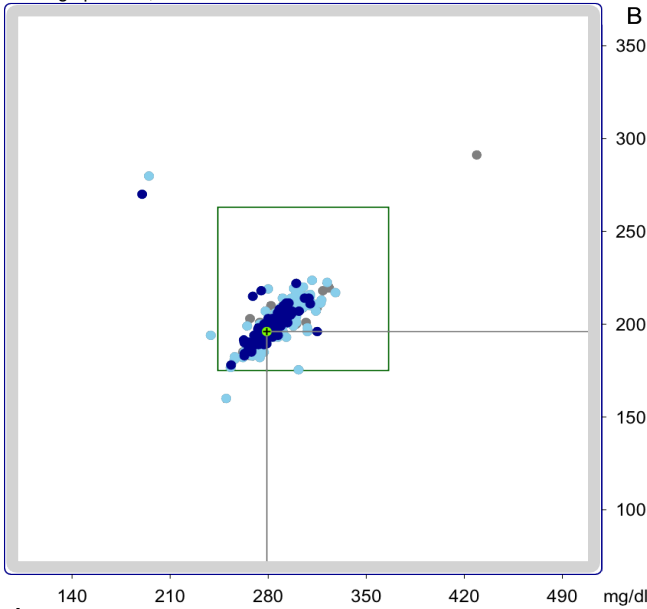
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -3.72 % B -3.07 %

Andere Kits (Anzahl): 1-10(1), 1-28(4), 1-99(1), 1-105(1), 1-126(1), 2-12(3), 2-16(2), 2-20(1), 2-33(1), 2-37(2), 2-99(4), 2-126(4), 2-135(1),

Analyt **Triglyceride**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,7 %

Ausreisser 1

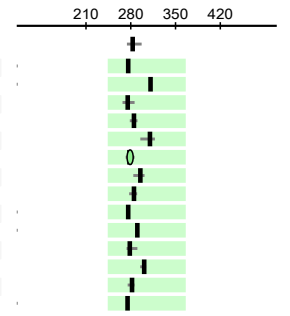


A

Teilnehmerzahl	494	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	284	200
Standardabweichung	14.8	10.3
Variationskoeffizient	5.22	5.14

Probe A (RMW = 305 mg/dl)

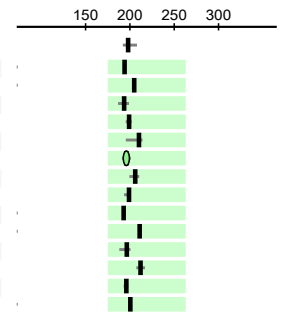
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		494	190	274	283	297	429
1	4	5	273		276		285
1	13	6	286		311		324
1	30	14	262	267	275	286	429
2	4	40	195	279	285	291	308
2	13	14	274	295	310	318	328
2	30	199	190	272	278	286	315
2	38	91	239	284	295	302	322
2	40	41	253	277	285	290	305
2	99	5	256		276		302
2	126	5	273		290		298
2	128	8	273	273	279	290	293
2	228	13	263	295	301	304	311
2	328	25	270	275	282	286	290
3	8	6	267		275		282



B

Probe B (RMW = 219 mg/dl)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		494	160	192	198	208	291
1	4	5	189		194		200
1	13	6	194		205		220
1	30	14	183	187	194	199	291
2	4	40	190	195	199	202	280
2	13	14	182	195	210	214	217
2	30	199	178	191	196	201	270
2	38	91	182	199	206	210	223
2	40	41	177	193	199	201	220
2	99	5	175		193		209
2	126	5	192		211		214
2	128	8	185	188	197	201	202
2	228	13	184	207	212	217	224
2	328	25	187	193	196	198	206
3	8	6	197		201		210



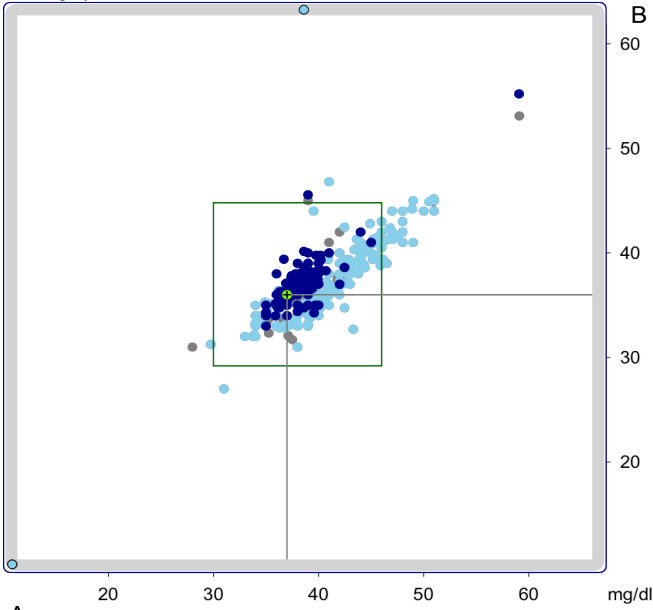
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0.36 % B 0 %

Andere Kits (Anzahl): 1-28(1), 1-38(2), 1-40(2), 1-128(1), 1-328(2), 2-10(1), 2-12(3), 2-16(2), 2-20(1), 2-28(3), 2-33(1), 2-37(1), 2-105(1), 2-135(1),

Analyt **HDL-Cholesterin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,7 %

Ausreisser 4

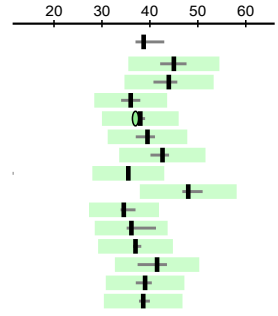


A

Teilnehmerzahl	526	
Probe/Einheit	A mg/dl	B
Mittelwert	39.5	37.0
Standardabweichung	3.58	2.79
Variationskoeffizient	9.04	7.53

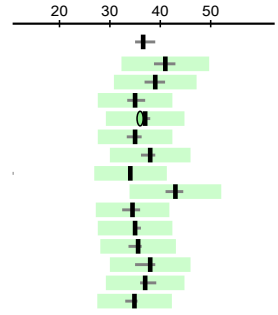
Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		526	7.10	37.0	38.7	43.0	59.1
1	4	45	39.5	42.1	45.0	47.6	51.0
1	13	20	36.8	40.7	44.0	45.7	47.1
1	28	33	31.0	34.0	36.0	38.0	40.9
1	30	210	35.0	37.0	38.0	39.0	59.1
1	38	79	7.10	37.1	39.5	41.1	43.7
1	40	38	37.0	40.1	42.6	44.0	45.0
1	126	6	34.0		35.5		38.0
1	128	8	46.2	46.8	48.0	51.0	51.0
1	228	8	33.8	33.9	34.6	37.0	37.0
1	328	10	34.0	35.2	36.1	41.3	51.0
2	30	11	35.2	36.5	37.0	38.2	40.5
6	8	8	37.0	37.4	41.5	43.6	44.0
7	30	9	37.0	37.1	39.0	40.4	41.0
7	38	12	35.3	37.7	38.6	40.0	40.2



Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		526	6.40	35.0	36.6	39.0	196
1	4	45	34.7	38.8	41.0	43.0	45.2
1	13	20	32.8	36.9	39.0	40.9	46.8
1	28	33	27.0	33.4	35.0	37.0	39.8
1	30	210	33.0	35.9	37.0	38.0	55.2
1	38	79	6.40	33.4	35.0	36.3	196
1	40	38	33.0	36.2	38.0	39.0	40.0
1	126	6	33.0		34.1		35.5
1	128	8	41.0	41.0	43.0	44.6	45.0
1	228	8	32.0	32.4	34.5	36.0	36.0
1	328	10	34.0	34.6	35.0	36.2	36.4
2	30	11	33.6	33.7	35.6	36.3	39.8
6	8	8	35.0	35.0	38.0	39.0	39.0
7	30	9	36.0	36.0	37.0	39.2	41.0
7	38	12	32.3	33.0	34.9	35.5	35.9



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -2.63 %
B -2.70 %

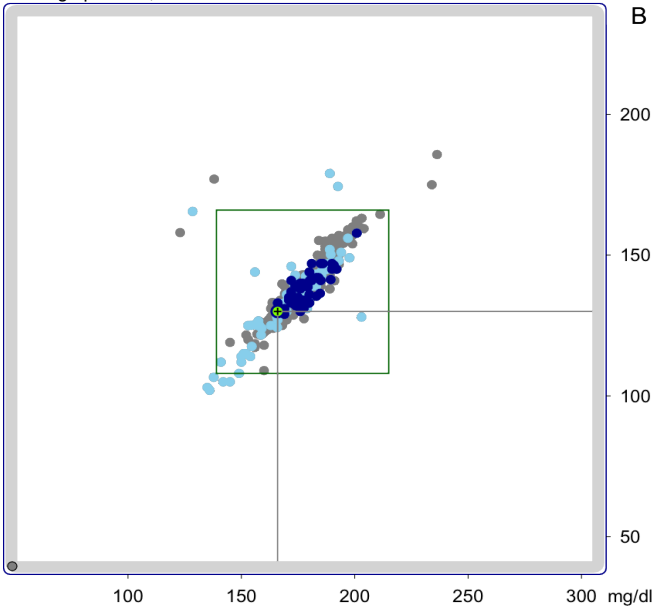
Andere Kits (Anzahl):

1-12(3), 1-16(2), 1-20(1), 1-37(1), 1-99(4), 1-103(2), 1-130(1), 2-38(4), 2-99(2), 2-105(1), 2-135(1), 5-101(1), 7-33(1), 7-40(5),

Analyt **LDL-Cholesterin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,8 %

Ausreisser 4

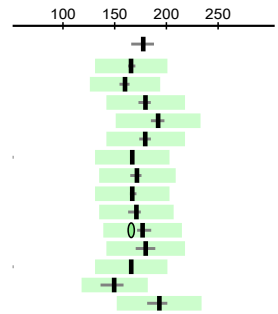


A

Teilnehmerzahl	508	
Probe/Einheit	A mg/dl	B
Mittelwert	177	138
Standardabweichung	12.6	11.0
Variationskoeffizient	7.10	7.99

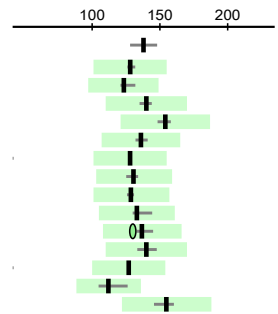
Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		508	4.50	166	178	188	236
1	4	32	160	163	166	170	178
1	13	15	123	155	160	164	165
1	30	164	138	173	180	185	236
1	38	57	4.50	185	192	198	211
1	40	39	160	174	180	185	191
1	128	7	161		167		172
1	228	12	164	165	172	176	179
1	328	16	160	165	167	171	176
6	4	11	129	163	171	175	178
6	30	48	166	172	177	185	201
6	38	26	156	170	180	189	203
6	99	7	145		166		198
6	328	12	136	136	150	159	173
8	38	8	177	181	193	201	201



Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		508	4.10	128	138	148	186
1	4	32	109	126	128	132	133
1	13	15	119	121	123	132	158
1	30	164	126	135	140	144	186
1	38	57	4.10	148	154	158	164
1	40	39	123	132	136	141	144
1	128	7	125		128		137
1	228	12	125	125	131	134	135
1	328	16	118	126	129	131	134
6	4	11	129	130	133	144	166
6	30	48	129	133	137	145	158
6	38	26	128	133	140	148	152
6	99	7	105		127		149
6	328	12	102	105	112	126	140
8	38	8	143	146	155	160	162



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -6.21 %
B -4.90 %

Andere Kits (Anzahl):

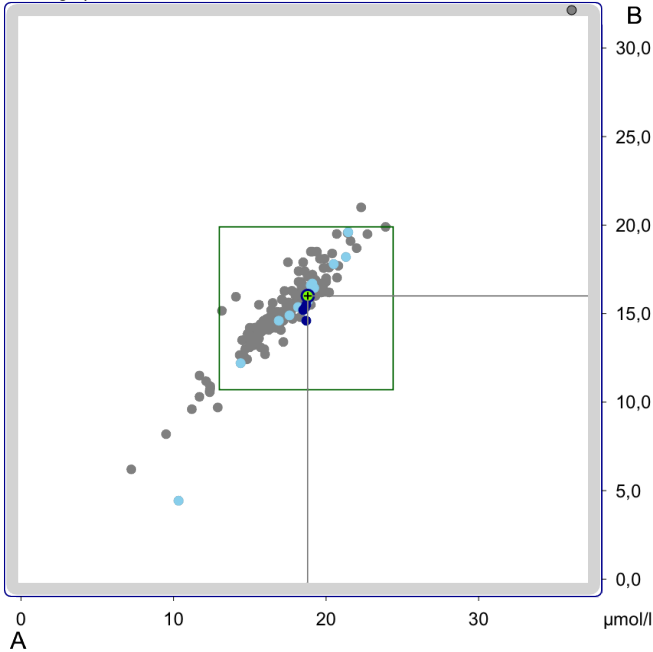
1-08(1), 1-12(1), 1-16(2), 1-20(1), 1-28(2), 1-37(1), 1-99(3), 1-103(2), 1-126(4), 2-30(3), 2-38(3), 2-99(1), 2-135(1), 4-101(1), 5-105(1), 6-08(4), 6-12(2), 6-13(3), 6-28(2), 6-33(1), 6-40(4), 6-126(2), 6-128(2), 8-30(6), 8-99(1),

Analyt **Homocystein**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 95,3 %

Ausreisser 1



A

Teilnehmerzahl	171		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	17.2		15.1
Standardabweichung	2.52		2.33
Variationskoeffizient	14.7		15.5

Probe A [µmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		171	7.23	15.2	17.3	19.5	36.1	
1	147	8	17.8	18.0	19.3	20.1	20.2	
2	4	21	12.1	15.3	17.4	18.9	21.6	
3	4	44	12.4	14.9	15.9	16.8	18.8	
3	40	22	16.5	17.7	19.4	20.5	22.0	
3	44	16	15.5	16.0	17.6	18.9	19.0	
4	2	3	11.2		11.7		12.4	
4	47	6	9.51		20.4		36.1	
4	99	5	14.6		15.5		20.0	
5	28	6	15.2		16.8		18.6	
5	228	5	15.9		16.7		19.8	
6	99	3	11.7		17.3		19.4	
7	12	3	20.5		21.3		21.5	
7	30	4	18.2		18.9		19.1	
7	147	5	18.5		18.7		18.8	

Probe B [µmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		171	4.43	13.5	15.1	17.1	32.0	
1	147	8	14.8	14.8	16.1	17.2	17.6	
2	4	21	11.2	13.3	15.0	16.8	19.1	
3	4	44	10.8	13.4	14.2	14.9	17.1	
3	40	22	15.6	16.0	16.9	18.2	19.5	
3	44	16	14.0	14.6	15.5	16.7	18.5	
4	2	3	9.60		10.3		10.9	
4	47	6	8.19		17.8		32.0	
4	99	5	12.6		13.4		17.0	
5	28	6	13.2		14.8		17.4	
5	228	5	14.3		14.4		16.6	
6	99	3	11.5		15.1		18.5	
7	12	3	17.8		18.2		19.6	
7	30	4	15.4		16.2		16.7	
7	147	5	14.6		15.3		16.0	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0.53 % B 4.58 %

Andere Kits (Anzahl):
 1-04(2), 1-12(1), 1-13(1), 1-30(2), 1-32(1), 1-44(2), 1-175(1), 2-03(1), 3-13(1), 3-28(1),
 4-75(1), 6-75(1), 7-13(1), 7-28(1), 7-75(1), 7-99(1), 7-175(1),

