

Ringversuch: **KU1/18**
im Monat: **Februar 2018**
Teilnehmer-Nr.: **0003333**
ausgestellt am: **03.02.18**

Referenzinstitut für Bioanalytik

Würmtal diagnostics GbR
Labor - 2. Stock
Kd. Nr. 0003333
Fraunhoferstr 11a
82152 Martinsried



Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. W. J. Geilenkeuser
Dr. A. Kessler

Bonn, 9. März 2018

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Urin teilgenommen haben.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Kreatinin	(1)	Gesamtprotein	(4)	a1-Mikroglobulin	(2)
Albumin	(2)	IgG	(2)	Proteinurie	(1)
pH-ST	(2)	Eiweiß-ST	(2)	Glucose-ST	(2)
Hämoglobin-ST	(2)	Leukozyten-ST	(2)	Keton-ST	(2)
Nitrit-ST	(2)	Bilirubin-ST	(2)	spez. Gew.-ST	(2)
Urobilinog.-ST	(2)				

Dieses Zertifikat ist gültig bis einschließlich August 2018.



Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Ringversuch: **KU1/18**
im Monat: **Februar 2018**
Teilnehmer-Nr.: **0003333**
ausgestellt am: **03.02.18**

Würmtal diagnostics GbR
Labor - 2. Stock
Kd. Nr. 0003333
Fraunhoferstr 11a
82152 Martinsried

Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. W. J. Geilenkeuser
Dr. A. Kessler

Bonn, 9. März 2018

Teilnahmebescheinigung

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Urin teilgenommen haben.

Die von Ihnen bestimmten Messgrößen sind nachfolgend aufgeführt:

Kreatinin	(1)	Gesamtprotein	(4)	a1-Mikroglobulin	(2)
Albumin	(2)	IgG	(2)	a2-Makroglobulin	(2)
Proteinurie	(1)	pH-ST	(2)	Eiweiß-ST	(2)
Glucose-ST	(2)	Hämoglobin-ST	(2)	Leukozyten-ST	(2)
Keton-ST	(2)	Nitrit-ST	(2)	Bilirubin-ST	(2)
spez. Gew.-ST	(2)	Urobilinog.-ST	(2)	Diagn.-Graph A	(1)
Diagn.-Graph B	(1)				

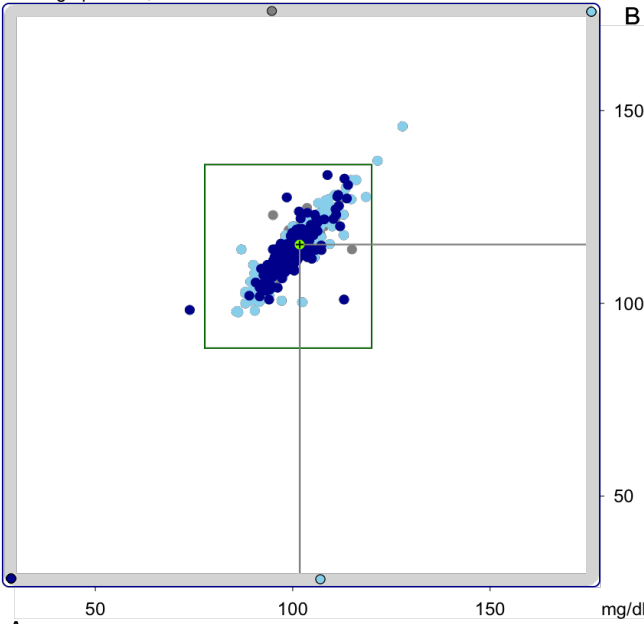


Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Analyt **Kreatinin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,6 %

Ausreisser 8



Teilnehmerzahl	806	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	101	114
Standardabweichung	5.13	5.77
Variationskoeffizient	5.10	5.04

Probe A (RMW = 98.4 mg/dl)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		806	0.105	96.0	101	106	9260
1	4	36	90.0	95.1	96.4	98.4	101
1	13	18	99.3	100	107	116	128
1	30	290	0.105	95.8	99.9	103	114
1	38	114	1.06	100	105	107	9260
1	40	28	85.7	89.2	92.0	95.5	105
1	126	12	96.2	97.0	101	108	122
1	128	9	86.2	87.3	97.5	100	100
1	228	8	101	102	108	110	110
1	328	55	89.4	96.4	99.0	102	490
2	4	9	96.6	97.0	97.7	102	102
2	30	152	92.6	98.5	102	107	115
2	38	19	96.0	99.3	103	107	109
2	40	15	94.8	96.4	99.1	105	106
4	30	6	96.1		101		105

Probe B (RMW = 112 mg/dl)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		806	0.122	109	114	120	10753
1	4	36	101	108	110	113	116
1	13	18	112	114	123	132	146
1	30	290	0.122	109	113	118	133
1	38	114	1.19	113	119	122	10753
1	40	28	97.9	101	105	108	120
1	126	12	109	110	114	123	137
1	128	9	97.7	99.1	113	114	114
1	228	8	111	115	121	123	123
1	328	55	102	110	113	117	229
2	4	9	109	109	111	116	120
2	30	152	102	111	116	121	127
2	38	19	107	113	118	123	125
2	40	15	105	110	113	119	120
4	30	6	111		115		122

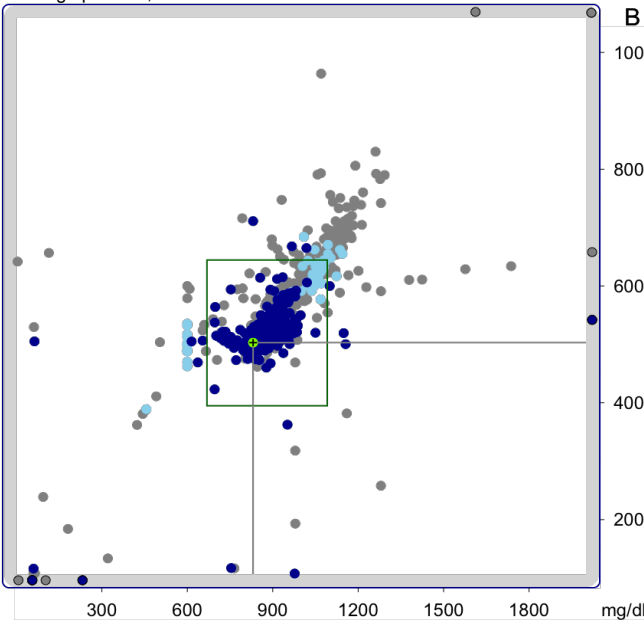
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 1.8 % B 1.9 %

Andere Kits (Anzahl): 1-07(1), 1-28(5), 1-99(4), 1-142(1), 2-07(1), 2-16(1), 2-20(1), 2-37(1), 2-126(2), 2-228(4), 2-285(1), 2-328(4), 3-08(3), 4-13(1), 4-38(1), 4-40(1), 4-99(1), 4-228(1), 4-328(1),

Analyt **Gesamtprotein**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 90,1 %

Ausreisser 11



Teilnehmerzahl	667	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	926	562
Standardabweichung	177	92.0
Variationskoeffizient	19.1	16.4

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		667	4.00	829	922	1082	945300
1	30	49	59.5	728	886	954	986
1	38	27	4.00	844	1082	1172	1277
4	4	39	967	1020	1055	1090	1145
4	30	285	55.0	822	880	937	8570
Roche2	12	600	600	600	600	600	600
5	13	15	939	949	1027	1203	7500
5	30	23	718	760	898	969	1082
5	38	81	114	980	1102	1150	1263
5	40	34	424	850	898	939	945300
5	126	7	947		1106		1293
5	128	7	972		1006		1058
5	228	13	941	946	973	995	1001
5	328	52	608	963	1004	1181	2976

Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		667	6.21	503	543	647	566700
1	30	49	108	494	521	543	597
1	38	27	134	591	662	722	783
4	4	39	577	601	624	652	684
4	30	285	90.0	499	520	547	711
Roche2	12	463	472	500	531	535	535
5	13	15	558	566	613	686	6600
5	30	23	117	488	517	566	635
5	38	81	534	606	664	715	793
5	40	34	362	480	568	589	566700
5	126	7	574		661		790
5	128	7	599		607		620
5	228	13	570	574	586	605	607
5	328	52	193	583	611	647	964

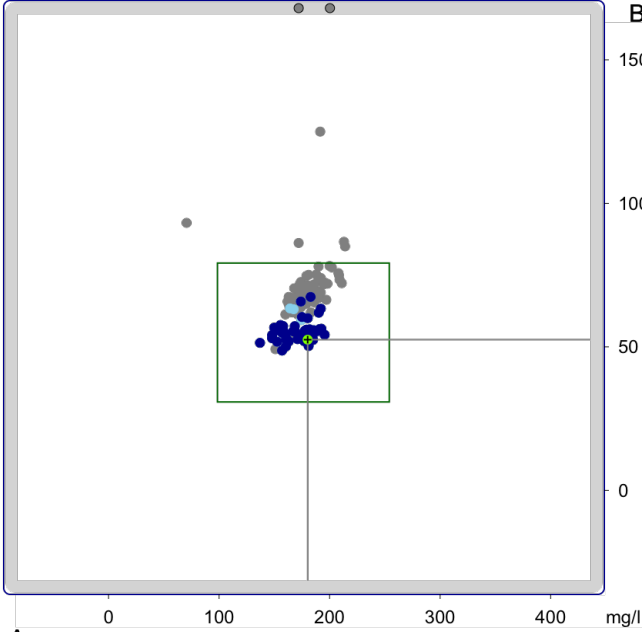
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -5.6 % B -3.2 %

Andere Kits (Anzahl): 1-04(2), 1-40(1), 1-328(1), 2-30(2), 2-28(3), 3-328(3), 4-40(2), 5-02(1), 5-07(1), 5-37(2), 5-105(2), 8-08(1), 10-30(2),

Analyt **a1-Mikroglobulin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,1 %

Ausreisser 2



A

Teilnehmerzahl	175	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	176	65.1
Standardabweichung	15.2	10.1
Variationskoeffizient	8.63	15.5

Probe A [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		175	70.6	165	176	189	214
1	13	21	70.6	176	190	210	214
1	28	85	151	168	175	183	208
1	228	12	165	166	171	176	209
2	30	49	137	156	176	185	196

Probe B [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		175	48.7	55.0	65.9	71.5	689
1	13	21	65.6	68.1	72.2	81.5	93.2
1	28	85	49.2	64.1	66.8	70.1	125
1	228	12	64.9	65.0	66.8	73.1	689
2	30	49	48.7	52.4	55.0	57.3	67.4

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

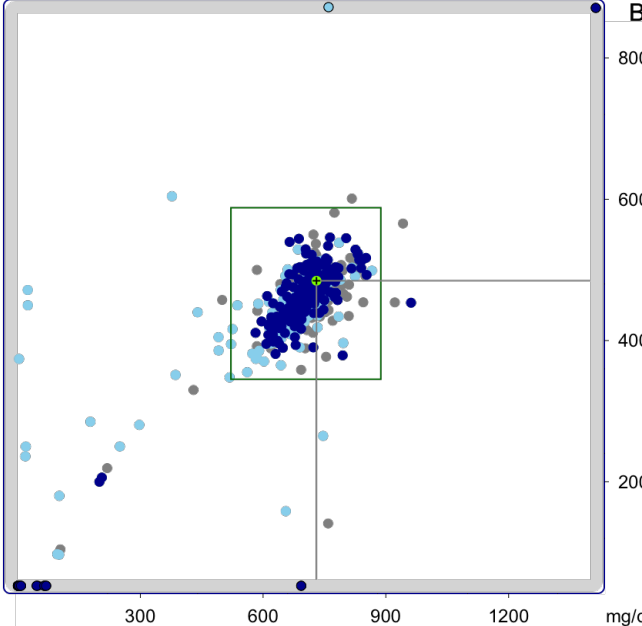
A 2.3 %
B -4.5 %

Andere Kits (Anzahl):
1-30(2), 1-99(1), 2-14(2), 2-99(1), 4-30(1), 7-128(1),

Analyt **Albumin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 91,2 %

Ausreisser 15



A

Teilnehmerzahl	491	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	685	452
Standardabweichung	128	60.6
Variationskoeffizient	18.7	13.4

Probe A [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		491	0.730	628	707	762	4000
1	13	18	105	639	721	779	850
1	28	64	630	704	739	760	823
1	30	10	663	691	719	800	817
1	228	13	585	599	763	818	922
2	4	16	537	607	676	725	781
2	13	11	3.64	573	700	785	786
2	30	210	0.730	641	705	764	4000
Roche2	10	440	440	440	440	440	440
2	38	57	96.9	558	699	751	817
2	40	18	102	562	611	648	668
2	328	16	19.1	279	713	778	832
3	38	8	664	669	694	746	764

Probe B [mg/dl]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		491	2.12	414	458	498	8400
1	13	18	104	410	457	488	498
1	28	64	141	438	457	498	550
1	30	10	415	453	494	537	601
1	228	13	428	445	478	504	509
2	4	16	418	433	453	468	490
2	13	11	374	404	439	464	538
2	30	210	3.28	420	467	502	8400
Roche2	10	440	440	440	440	440	440
2	38	57	97.6	398	447	476	503
2	40	18	180	356	386	410	416
2	328	16	236	401	503	550	5100
3	38	8	359	381	448	478	478

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

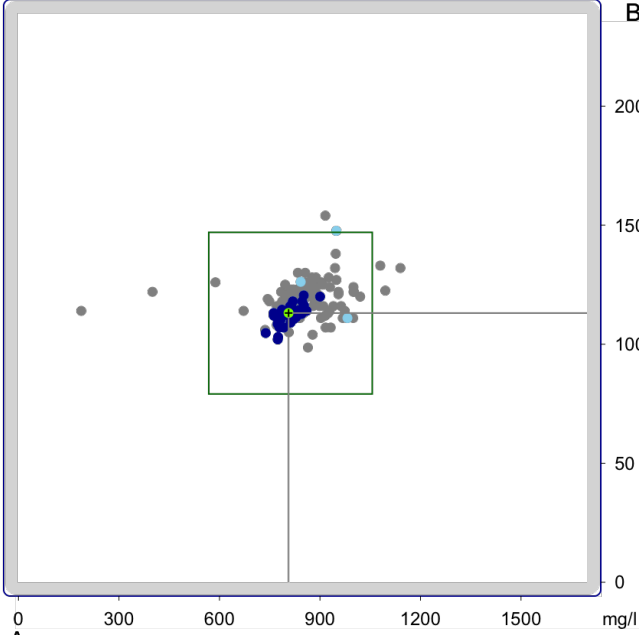
A 3.6 %
B 3.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(2), 1-38(1), 1-83(1), 1-99(1), 2-12(2), 2-28(3), 2-37(1), 2-126(3), 2-128(1), 3-04(4), 3-30(5), 3-40(1), 3-328(1), 5-38(1), 6-07(1), 6-30(5), 6-40(2), 6-44(5),

Analyt **IgG**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,2 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	170	
Probe/Einheit	A mg/l	B
Mittelwert	847	118
Standardabweichung	93.8	7.31
Variationskoeffizient	11.1	6.21

Probe A [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		170	188	795	840	916	1140
1	13	21	864	907	963	1049	1140
1	28	98	188	810	842	891	1000
1	30	3	736		851		916
1	228	11	400	573	795	837	868
2	14	2	843		896		949
2	30	33	738	774	812	846	900

Probe B [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		170	98.6	111	117	124	154
1	13	21	98.6	107	114	123	133
1	28	98	105	114	119	125	138
1	30	3	106		122		154
1	228	11	114	116	121	126	130
2	14	2	126		137		148
2	30	33	102	108	113	116	121

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

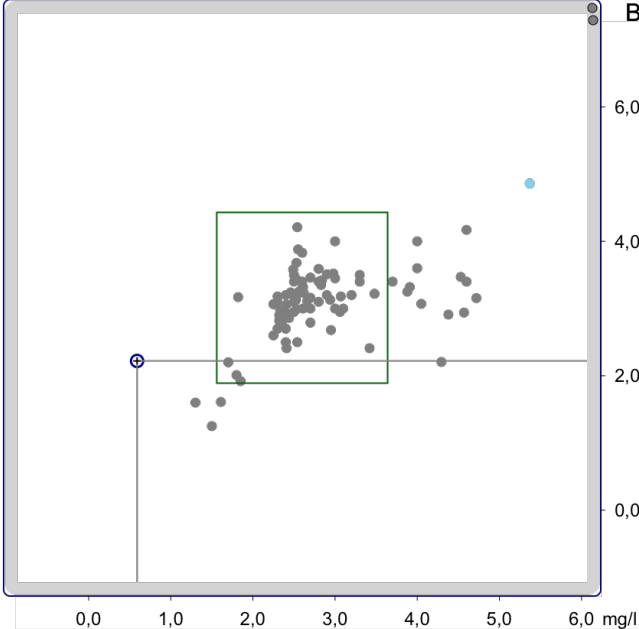
A	-0.7 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-14(1), 2-13(1),

Analyt **a2-Makroglobulin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 92,6 %

Ausreisser 2



A

Teilnehmerzahl	95	
Probe/Einheit	A mg/l	B
Mittelwert	2.82	3.11
Standardabweichung	0.798	0.554
Variationskoeffizient	28.3	17.8

Probe A [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		95	0.590	2.32	2.60	3.90	4.03
1	13	11	1.30	1.48	2.30	3.06	4.30
1	28	65	1.82	2.40	2.54	3.00	3.48
1	228	14	3.70	3.89	4.22	4.67	40.3

Probe B [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		95	1.25	2.70	3.16	3.52	16.5
1	13	11	1.25	1.57	2.21	2.81	3.00
1	28	65	2.41	2.92	3.18	3.50	4.21
1	228	14	2.91	2.99	3.40	4.10	7.29

Andere Kits (Anzahl):
1-69(1), >2-14(1), 2-156(1), 4-69(1), 6-13(1),

Analyt **Proteinurie**
 Methode Alle Methoden
 - Auswertung der Beurteilungsschlüssel -

Probe A

<input type="checkbox"/>	- normale Proteinausscheidung
<input type="checkbox"/>	6 glomeruläre Proteinurie
<input type="checkbox"/>	- postrenale Proteinurie
<input type="checkbox"/>	2 andere Konstellationen
<input checked="" type="checkbox"/>	118 glomeruläre und tubuläre Proteinurie
<input type="checkbox"/>	1 prärenale Proteinurie (z.B. Bence-Jones Proteinurie)
<input type="checkbox"/>	1 tubuläre Proteinurie

Probe B

<input type="checkbox"/>	- normale Proteinausscheidung
<input type="checkbox"/>	11 glomeruläre Proteinurie
<input type="checkbox"/>	- postrenale Proteinurie
<input type="checkbox"/>	2 andere Konstellationen
<input checked="" type="checkbox"/>	113 glomeruläre und tubuläre Proteinurie
<input type="checkbox"/>	2 prärenale Proteinurie (z.B. Bence-Jones Proteinurie)
<input type="checkbox"/>	- tubuläre Proteinurie

Teilnehmerzahl 128 [Erfolgsquote 87 %]

Analyt **pH-ST**
 Methode Alle Methoden

Probe A

<input type="checkbox"/>	-	<input type="checkbox"/>	- pH Wert 5
<input type="checkbox"/>	-	<input type="checkbox"/>	1 pH Wert 5,5
<input type="checkbox"/>	1	<input type="checkbox"/>	- pH Wert 6
<input type="checkbox"/>	1	<input type="checkbox"/>	3 pH Wert 6,5
<input type="checkbox"/>	64	<input checked="" type="checkbox"/>	461 pH Wert 7
<input type="checkbox"/>	35	<input type="checkbox"/>	182 pH Wert 7,5
<input type="checkbox"/>	8	<input type="checkbox"/>	29 pH Wert 8
<input type="checkbox"/>	-	<input type="checkbox"/>	- pH Wert 8,5
<input type="checkbox"/>	-	<input type="checkbox"/>	1 pH Wert 9

Analyt **Eiweiß-ST**
 Methode Alle Methoden

Probe A

	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
<input type="checkbox"/>	4	1	-	-	-	0	5	negativ
<input type="checkbox"/>	-	-	-	-	-	0	0	schw./grenzw. pos.
<input checked="" type="checkbox"/>	7	4	-	-	1	8	20	positiv
<input type="checkbox"/>	318	130	48	29	65	171	761	stark positiv

Probe B

<input type="checkbox"/>	-	<input type="checkbox"/>	- pH Wert 5
<input type="checkbox"/>	1	<input type="checkbox"/>	- pH Wert 5,5
<input type="checkbox"/>	2	<input type="checkbox"/>	1 pH Wert 6
<input type="checkbox"/>	2	<input type="checkbox"/>	10 pH Wert 6,5
<input type="checkbox"/>	63	<input checked="" type="checkbox"/>	430 pH Wert 7
<input type="checkbox"/>	31	<input type="checkbox"/>	145 pH Wert 7,5
<input type="checkbox"/>	10	<input type="checkbox"/>	91 pH Wert 8
<input type="checkbox"/>	-	<input type="checkbox"/>	- pH Wert 8,5
<input type="checkbox"/>	-	<input type="checkbox"/>	- pH Wert 9

Probe B

	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
<input type="checkbox"/>	2	-	-	-	-	1	3	negativ
<input type="checkbox"/>	-	-	-	-	-	0	0	schw./grenzw. pos.
<input checked="" type="checkbox"/>	7	4	1	-	2	7	21	positiv
<input type="checkbox"/>	320	131	47	29	64	171	762	stark positiv

visuell optisch-automatisiert

Teilnehmerzahl 786

Teilnehmerzahl 786

Analyt **Glucose-ST**
Methode Alle Methoden

Probe	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
A								
<input checked="" type="radio"/>	5	3	-	1	-	3	12	<= 50 mg/dl
<input type="radio"/>	280	27	36	13	15	86	457	> 50-200 mg/dl
<input type="radio"/>	48	106	12	12	44	83	305	> 200-500 mg/dl
<input type="radio"/>	-	-	-	2	3	6	11	> 500 mg/dl

Analyt **Hämoglobin-ST**
Methode Alle Methoden

Probe	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
A								
<input checked="" type="radio"/>	314	111	48	27	66	169	735	negativ
<input type="radio"/>	13	23	-	-	1	10	47	5 - 12 Erys/ul
<input type="radio"/>	1	-	-	-	-	0	1	13 - 50 Erys/ul
<input type="radio"/>	1	-	-	-	-	0	1	> 50 Erys/ul

Probe	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
B								
<input type="radio"/>	299	111	34	22	37	133	636	<= 50 mg/dl
<input checked="" type="radio"/>	28	25	14	6	24	45	142	> 50-200 mg/dl
<input type="radio"/>	4	-	-	-	1	0	5	> 200-500 mg/dl
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	> 500 mg/dl

Probe	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
B								
<input checked="" type="radio"/>	323	105	48	27	63	163	729	negativ
<input type="radio"/>	6	29	-	-	4	16	55	5 - 12 Erys/ul
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	13 - 50 Erys/ul
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	> 50 Erys/ul

Teilnehmerzahl 785

Teilnehmerzahl 784

Analyt **Leukozyten-ST**
Methode Alle Methoden

Probe	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
A								
<input checked="" type="radio"/>	318	133	48	28	66	179	772	negativ
<input type="radio"/>	8	1	-	-	1	0	10	5 - 50 /ul
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	51 - 250 /ul
<input type="radio"/>	1	-	-	-	-	0	1	> 250 /ul

Analyt **Keton-ST**
Methode Alle Methoden

Probe	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
A								
<input checked="" type="radio"/>	324	131	46	27	58	177	763	negativ/Spur
<input type="radio"/>	1	-	-	-	-	0	1	>5 - <50 mg/dl
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	>=50 mg/dl

Probe	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
B								
<input checked="" type="radio"/>	312	133	48	28	65	176	762	negativ
<input type="radio"/>	15	1	-	-	2	3	21	5 - 50 /ul
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	51 - 250 /ul
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	> 250 /ul

Probe	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
B								
<input checked="" type="radio"/>	325	131	46	27	58	177	764	negativ/Spur
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	>5 - <50 mg/dl
<input type="radio"/>	-	-	-	-	-	0	0	>=50 mg/dl

Teilnehmerzahl 783

Teilnehmerzahl 764

Analyt **Nitrit-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
⊙	319	130	46	28	60	176	759	negativ
○	7	1	-	-	2	2	12	positiv

Analyt **Bilirubin-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
⊙	324	129	45	27	60	176	761	negativ/schwach+
○	-	-	-	-	-	0	0	mittel ++ / +1 / +2
○	-	-	-	-	-	0	0	stark +++ / +3 / +4

Probe B	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
⊙	304	128	46	27	42	167	714	negativ
○	22	3	-	1	20	11	57	positiv

Probe B	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
⊙	323	129	45	27	59	176	759	negativ/schwach+
○	-	-	-	-	-	0	0	mittel ++ / +1 / +2
○	-	-	-	-	-	0	0	stark +++ / +3 / +4

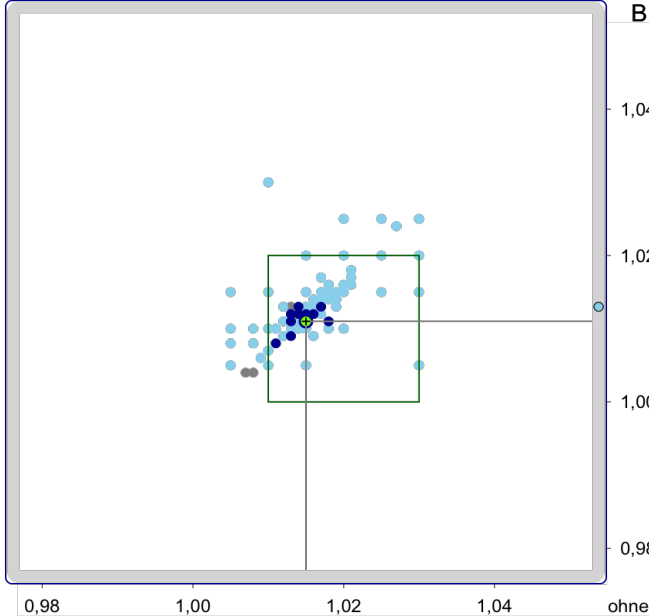
Teilnehmerzahl 771

Teilnehmerzahl 761

Analyt **spez. Gew.-ST**
Methode Alle Methoden

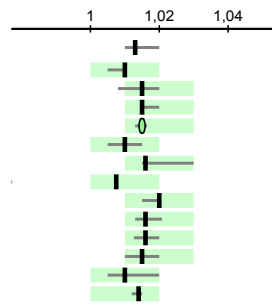
Erfolgsquote 98,6 %

Ausreisser 1



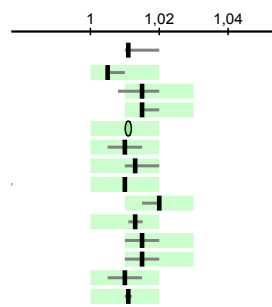
Probe A [ohne]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		718	1.01	1.01	1.01	1.02	1.16
1	30	35	1.01	1.01	1.01	1.01	1.02
1	40	9	1.01	1.01	1.02	1.02	1.02
1	99	13	1.02	1.02	1.02	1.02	1.02
2	13	21	1.01	1.01	1.02	1.02	1.02
2	30	312	1.01	1.01	1.01	1.02	1.03
2	33	19	1.01	1.02	1.02	1.03	1.03
2	37	6	1.01		1.01		1.01
2	40	128	1.01	1.02	1.02	1.02	1.03
2	64	23	1.01	1.01	1.02	1.02	1.16
2	99	21	1.01	1.01	1.02	1.02	1.03
2	127	26	1.01	1.01	1.02	1.02	1.03
2	145	24	1.01	1.01	1.01	1.02	1.02
2	146	45	1.01	1.01	1.01	1.02	1.02



Probe B [ohne]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		718	1.00	1.01	1.01	1.02	1.03
1	30	35	1.01	1.01	1.01	1.01	1.02
1	40	9	1.01	1.01	1.02	1.02	1.02
1	99	13	1.01	1.02	1.02	1.02	1.02
2	13	21	1.01	1.01	1.01	1.01	1.01
2	30	312	1.01	1.01	1.01	1.02	1.03
2	33	19	1.01	1.01	1.01	1.02	1.03
2	37	6	1.01		1.01		1.01
2	40	128	1.01	1.02	1.02	1.02	1.03
2	64	23	1.01	1.01	1.01	1.02	1.02
2	99	21	1.01	1.01	1.02	1.02	1.03
2	127	26	1.01	1.01	1.02	1.02	1.03
2	145	24	1.01	1.01	1.01	1.02	1.02
2	146	45	1.01	1.01	1.01	1.02	1.01



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0 %
B 0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-12(1), 1-15(1), 1-37(3), 1-64(1), 1-121(1), 1-127(4), 1-145(3), 1-146(1), 1-151(1), 2-12(2), 2-17(1), 2-25(3), 2-28(4), 2-564(1), 2-164(4), 2-230(4), 2-328(1),

Teilnehmerzahl	718		
Probe/Einheit	A	ohne	B
Mittelwert	1.01		1.01
Standardabweichung	0.005		0.004
Variationskoeffizient	0.526		0.474

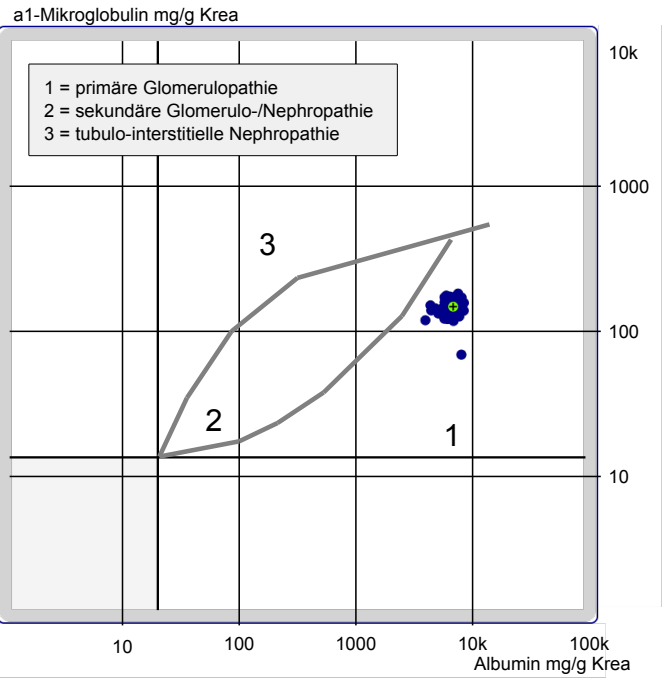
Analyt **Urobilinog.-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
	325	127	45	27	58	175	757	normal
	1	1	-	-	-	0	2	+1 / +2 / 2-4 mg/dl
	-	-	-	-	-	1	1	+3 / +4 / > 4 mg/dl

Probe B	2 30	2 40	2 146	2 127	1 30	andere	alle	Methode Kit
	326	127	45	27	58	175	758	normal
	-	1	-	-	-	1	2	+1 / +2 / 2-4 mg/dl
	-	-	-	-	-	0	0	+3 / +4 / > 4 mg/dl

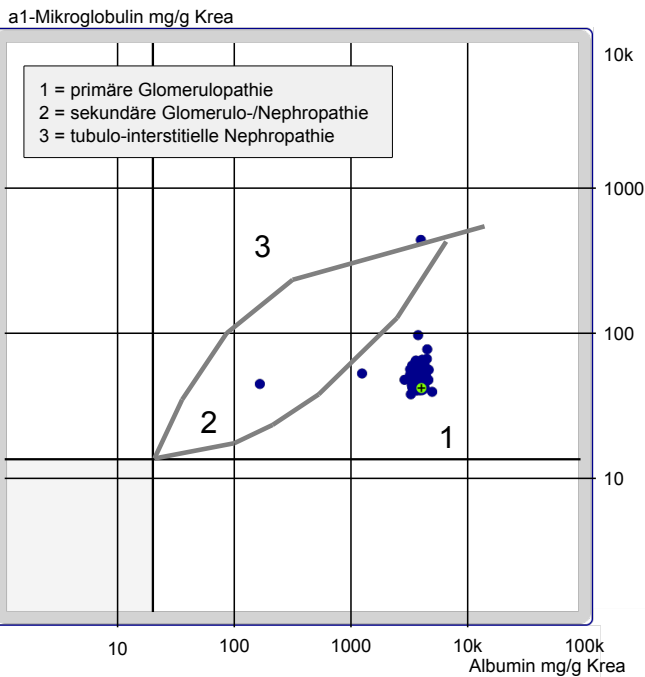
Teilnehmerzahl 760

Analyt **Diagn.-Graph A**
Methode



Teilnehmerzahl	160		
Abszisse/Ordinate	Albumin	mg/g Krea	a1-Mikrogl.
Median	7084		175

Analyt **Diagn.-Graph B**
Methode



Teilnehmerzahl	160		
Abszisse/Ordinate	Albumin	mg/g Krea	a1-Mikrogl.
Median	4001		56.7

